# PATENT ABSTRACTS OF JAPAN

(11)Publication number:

2000-245461

(43)Date of publication of application: 12.09.2000

(51)Int.CI.

C12N 15/09 C120 1/68

G01N 33/50

(21)Application number: **11-059397** 

(71)Applicant: JENOKKUSU SOYAKU

KENKYUSHO:KK

MITSUBISHI RAYON CO LTD

(22)Date of filing:

05.03.1999

(72)Inventor:

**GUNJI YOSHIMICHI** 

AKITA TAKASHI

TO FUJIO

### (54) NUCLEIC ACID-IMMOBILIZED HOLLOW FIBER AND ARRANGED BODY OF NUCLEIC ACID-IMMOBILIZED HOLLOW FIBER AND ITS THIN LAYER

(57) Abstract:

PROBLEM TO BE SOLVED: To obtain hollow fiber that makes the micro divided injection operations, for example, many errors-causing spotting method unnecessary, and can prepare thin specimens that have each fiber cross section of an arranged hollow fiber in which nucleic acids are exactly and densely immobilized to the inner surface of the hollow fiber by immobilizing nucleic acids thereto and is useful for gene analysis and the like.

SOLUTION: Nucleic acid, for example, DNA, RNA or the like is immobilized to the inner surfaces of individual hollow fibers. These hollow fibers are arranged to a fiber bundle including 100 or more count/cm2 of hollow fibers in which nucleic acids are immobilized to the hollow surface. In this fiber bundle, individual fibers are regularly arranged. The whole or a part of individual fibers are immobilized with different kinds of nucleic acids. In a preferred embodiment, thin specimens of the nucleic acid-immobilized hollow fiber arranged body have each the cross section crossing the fiber axis of the arranged fiber body of nucleic acid-immobilized

₹**3**) (4)

hollow fiber arrange body. The hollow fibers are prepared from nylon 6, polyethylene terephthalate. poly(lactic acid) or the like.

### LEGAL STATUS

[Date of request for examination]

[Date of sending the examiner's decision of rejection]

[Kind of final disposal of application other than the

examiner's decision of rejection or application converted registration]

[Date of final disposal for application]

[Patent number]

[Date of registration]

[Number of appeal against examiner's decision of rejection]

[Date of requesting appeal against examiner's decision of rejection]

[Date of extinction of right]

Copyright (C): 1998,2000 Japanese Patent Office

# (19)日本国特許庁 (JP) (12) 公開特許公報 (A)

(11)特許出願公開番号 特開2000-245461 (P2000-245461A)

(43)公開日 平成12年9月12日(2000.9.12)

(51) Int.Cl.7	識別記号	FI	テーマコード(参考)
C 1 2 N 15/09		C 1 2 N 15/00	A 2G045
C 1 2 Q 1/68		C 1 2 Q 1/68	A 4B024
G 0 1 N 33/50		G 0 1 N 33/50	P 4B063

### 審査請求 未請求 請求項の数6 OL (全 10 頁)

		- 1000 1000 1000 1000 1000 1000 1000 10	North St. Mark No. 2 Act of the state of the	
(21)出願番号	特顧平11-59397	(71)出顧人	597177471 株式会社ジェノックス創薬研究所	
/00) (LIEE D	平成11年3月5日(1999.3.5)	:	株式会社シェノックへの来が元が 茨城県つくば市東光台5-1-3	
(22) 出願日	<b>一规11年3713日(1995.0.07</b>	(71)出願人		
			三菱レイヨン株式会社	
		1	東京都港区港南一丁目6番41号	
		(72)発明者		
		!	東京都品川区八潮五丁目10番55号509号室	
		(72)発明者	秋田 隆	
		1	広島県大竹市御幸町20番1号 三菱レイヨ	
			ン株式会社中央技術研究所内	
		(74)代理人	100091096	
			弁理士 平木 祐輔 (外1名)	
		ļ	最終頁に続く	

## (54) 【発明の名称】 核酸固定化繊維並びに核酸固定化繊維配列体及びその幕片

#### (57)【要約】

【解決手段】 核酸固定化並びに核酸固定化中空繊維配 列体及びその薄片。

【効果】 核酸が任意に高密度且つ正確に配列された核 酸固定化繊維配列体の繊維断面を有する薄片を再現性よ く効率的に得ることができる。この薄片を用いて、検体 中の核酸の種類および量を調べることができる。

### 【特許請求の範囲】

【請求項1】 核酸が固定化された繊維、

【請求項2】 請求項1記載の繊維の束を含む核酸固定 化繊維配列体

【請求項3】 繊維配列体中の繊維が規則的に配列されたものである請求項2記載の核酸固定化繊維配列体。

【請よ項4】繊維の東が、1 c m<sup>2</sup>あたり100 本以上の繊維を含むものである請求項2又は3記載の核酸固定化繊維配列体。

【請求項5】 核酸の種類が、各繊維の全部又は一部に おいて異なるものである請求項2~4のいずれか1項に 記載の核酸固定化繊維配列体。

【請求項6】 請求項2~うのいずれか1項に記載の核酸固定化繊維配列体の繊維軸と交差する切断面を有する、前記核酸固定化繊維配列体の薄片。

#### 【発明の詳細な説明】

#### [cool]

【発明の属する技術分野】本発明は、核酸が固定化された高分子材料に関する。詳しくは、核酸が固定化された繊維並びに核酸が固定化された繊維配列体及びその薄片に関する。

#### [0002]

【従来の技術】近年、各種生物におけるゲノムプロジェ クトが進められており、ヒト遺伝子をはじめとして、多 数の遺伝子とその塩基配列が急速に明らかにされつつあ ろ 配列の明らかにされた遺伝子の機能については、各 種の方法で調べることができるが、その有力な方法の一 つとして、明らかにされた塩基配列情報を利用した遺伝 子発現解析が知られている。例えば、ノーザンハイブリ ダイゼーションに代表されるような、各種の核酸:核酸 間ハイブリダイゼーション反応や各種のPCR反応を利用 した方法が開発され、当該方法により各種遺伝子とその 生体機能発現との関係を調べることができる。しかしな がら、これらの方法では適用し得る遺伝子の数に制限が ある。したがって、今日のゲノムプロジェクトを通して 明らかにされつつあるような、一個体レベルという極め て多数の遺伝子から構成される複雑な反応系全体からみ ると、上記方法により遺伝子の総合的・系統的解析を行 うことは困難である。

【0003】最近になって、多数遺伝子の一括発現解析を可能とするDNAマイクロアレイ法(DNAチップ法)と呼ばれる新しい分析法、ないし方法論が開発され、注目を集めている。これらの方法は、いずれも核酸:核酸間ハイブリダイゼーション反応に基づく核酸検出・定量法である点で原理的には従来の方法と同じであるが、マイクロアレイ又はチップと呼ばれる平面基盤片上に、多数のDNA断片が高密度に整列固定化されたものが用いられている点に大きな特徴がある。マイクロアレイ法の具体的使用法としては、例えば、研究対象細胞の発現遺伝子等を蛍光色素等で標識したサンプルを平面

基盤片上でハイブリダイセーションさせ、互いに相補的な核酸(DNAあるいはRNA)同士を結合させ、その箇所を蛍光色素等でラベル後、高解像度解析装置で高速に読みとる方法が挙げられる。こうして、サンブル中のそれぞれの遺伝子量を迅速に推定できる。即ち、この新しい方法の本質は、基本的には反応試料の減量化と、その反応試料を再現性よく多量・迅速・系統的に分析、定量しうる形に配列・整列する技術との統合であると理解される。

【0004】核酸を基盤上に固定化するための技術としては、上記ノーザン法同様、ナイロンシート等の上に高密度に固定化する方法の他、更に密度を高めるため、ガラス等の基盤の上にポリリジン等をコーティングして固定化する方法、あるいはシリコン等の基盤の上に短鎖の核酸を直接固相合成していく方法などが開発されている。

【0005】しかし、例えば、ガラス等の固体表面を化 学的又は物理的に修飾した基盤上に核酸をスポッティン グ固定化する方法[Science 270, 467-470(1995)]は、ス ポット密度でシート法より優れるものの。スポット密度 及びスポット当たり固定できる核酸量がシリコン基盤上 における直接合成法(U.S.Patent 5.445.934、U.S.Paten t 5,774,305) と比較して少量であり、再現が困難であ る点が指摘されている。他方、シリコン等の基盤の上に フェトリソグラフィー技術を用い、多種の短鎖核酸をそ の場で規則正しく固相合成していく方法に関しては、単 位面積当たりに合成しうる核酸種数(スポット密度)及 びスポット当たりの固定化量(合成量)、並びに再現性 等において、スポッティング法より優れるとされるもの の、固定化しうる化合物種は、フォトリソグラフィーに より制御可能な比較的短鎖の核酸に限られる。さらに、 高価な製造装置と多段の製造プロセスにより、チップ当 たりの大きなコストダウンが困難とされる。その他、微 小な担体上に核酸を固相合成しライブラリー化する手法 として、微小なビーズを利用する方法が知られている。 この方法は、チップ法より長鎖の核酸を多種・安価に合 成することが可能であり、また。DNA等より長鎖の核 酸も固定可能と考えられる。しかしながら、チップ法と 異なり、指定の化合物を指定の配列基準で再現性よく整 列させたものを作製することは困難である。

#### [0006]

【発明が解決しようとする課題】このような状況下、鎖 長によらず核酸を所定の濃度に固定化でき、測定可能な 形に高密度に再現よく配列化可能で、安価な大量製造に 適応しらる新たな体系的方法論の確立は、今後重要性を 増すと考えられる遺伝子解析に強く求められるものであ り、本発明が解決しようとする課題である。

【①①①7】具体的には、本発明が解決しようとする課題は、ナイロンシートやカラス基盤のような三次元担体上への微量スポッティングや微量分注による核酸配列体

製造法に比べ、核酸固定化量が高く、単位面積あたり配列される核酸分子種の高密度化が可能で、大量生産により適した配列体、すなわち核酸が固定化された二次元的(平面的)配列体(固定化核酸二次元配列体という)の製造法の確立である。また、本発明が解決しようとする課題はシリコン基盤上へのフォトリソグラフィーと固相合成との組み合わせによる高密度オリゴ核酸配列体製造法と比べ、・ロNAを含む長鎖の核酸にも適応可能で、製造コストのより低い固定化核酸二次元配列体製造法の確立である。そこで、本発明は、核酸が固定化された繊維並びに核酸が固定化された繊維配列体及びその薄片を提供することを目的とする。

#### [0008]

【課題を解決するための手段】本発明者等は、上述の如き課題を解決すべく、鋭意検討を重ねた結果、核酸整列化プロセスと固定化プロセスとを同一の二次元担体上で行う従来法の発想を改め、核酸の固定化プロセスを一次元構造体としての繊維上(1本の繊維上)に独立して行い。それらの整列化プロセスに各種の繊維賦形技術を導入することにより三次元構造体としての繊維束を作製し、得られる繊維束の切片化プロセスを経ることで、固定化核酸二次元高密度配列体を作製し得ることを見いだし、本発明を完成するに至った。すなわち、本発明は、核酸が固定化された繊維である。

【①①①9】さらに、本発明は、前記繊維の東を含む核酸固定化繊維配列体である。該配列体としては、例えば繊維配列体中の繊維が規則的に配列されたものが挙げられ、10m/あたり100本以上の繊維を含むものが挙げられる。また、これらの繊維に固定化された核酸の種類としては、各繊維の全部又は一部において異なるものが挙げられる。さらに、本発明は、前記核酸固定化繊維配列体の繊維軸と交差する切断面を有する、前記核酸固定化繊維配列体の薄片である。

#### [0010]

【発明の実施の形態】以下、本発明を詳細に説明する。本発明において、繊維に固定化する対象となる核酸としては、デオキシリボ核酸(DNA)やリボ核酸(RNA)が挙けられる。本発明に用いる核酸は、市販のものでもよく、また、生細胞などから得られた核酸でもよい

【0011】生細胞からのDNA又はRNAの調製は、 公知の方法、例えばDNAの抽出については、Blinらの 方法(Blinetal.、Nucleic Acids Res. 3: 2303 (197 6))等により、また、RNAの抽出については、Fa valoroらの方法(Favaloro etal.、Methods Enz ymol.65 718 (1980))等により行うことができる。固 定化する核酸としては、更に、鎖状若しくは環状のブラスミドDNAや染色体DNA、これらを制限酵素により 若しくは化学的に切断したDNA断片、試験管内で酵素 等により合成されたDNA、又は化学合成したオリゴヌ クレオチド等を用いることもできる

【①①12】本発明では、核酸をそのまま繊維に固定化してもよく、また、核酸に化学的修飾を施した誘導体や、必要に応じて変成させた核酸を固定化してもよい核酸の化学的修飾には、アミブ化「ビオチン化」ディゴキシデニン化等が知られており{Current Protocols In Molecular Biology、Ed.; Frederick M. Ausubel et al.(1990)。脱アイソトープ実験プロトコール(1)11(G.ハイブリダイゼーション(秀間社)】、本発明ではこれでの修飾法を採用することができる。一例として、核酸スペクアミブ基導入に関して説明する。

【ロ013】アミノ基を有する脂肪族炭化水素鎖と一本 鎖核酸との結合位置は特に限定されるものではなく、核 酸のう。末端または3)末端のみならず核酸の鎖中(例 えば、リン酸ジエステル結合部位または塩基部位)であ ってもよい。この一本鎖核酸誘導体は、特公平3-74239 导公報、卡国特許4.667,025号、卡国特許4.789,737号等 に記載の方法にしたがって調製することができる。この 方法以外にも、例えは、市販のアミノ基導入用試薬「例 えば、アミノリンクH(商標名);PEバイオシステム ズジャパン社、Amino Modifiers(商標名);クロンテ ック社] などを用いて、又はDNAの5。末端のリン酸 にアミノ基を有する脂肪族炭化水素鎖を導入する周知の 方法 (Nucleic Acids Res., 11(18), 6513-(1983) )にし たかって調製することができる。本発明において、核酸 の固定化に用いることができる繊維としては、合成繊 維、半合成繊維、再生繊維、無機繊維のごとき化学繊 維、及び天然繊維等が挙げられる。

【0014】合成繊維の代表例としては、ナイロンち、ナイロンちら、芳香族ポリアミド等のポリアミド系の各種繊維、ポリエチレンテレフタレート、ポリプチレンテレフタレート、ポリ乳酸、ポリグリコール酸等のポリエステル系の各種繊維、ポリエチレンやポリプロピレン等のポリオレフィン系の各種繊維、ポリビニルアルコール系の各種繊維、ポリ塩化ビニリテン系の各種繊維、ポリ塩化ビニリテン系の各種繊維、ポリ塩化ビニリテントポリテトラフルオロエチレン等からなるフッ素系繊維、ポリアルキレンパラオキシベンソエート系の各種繊維などが挙げられる。また、衣料用以外の繊維、例えば、ポリメチルメタクリレートやポリスチレンなどの透明非晶質高分子を主材料とした光学繊維なども用いることができる。

【0015】半合成繊維の代表例としては、ジアセテート、トリアセテート、キチン キトサン等を原料としたセルロース系誘導体系各種繊維 フロミックスと呼称される蛋白質系の各種繊維などが挙げられる。再生繊維の代表例としては、ビスコース法や銅ーアンモニア法、あるいは有機溶剤法により得られるセルロース系の各種再

生繊維(レーヨン、キュプラ、ボリノジック等)などが 挙げられる。無機繊維の代表例としては、カラス繊維、 炭素繊維などが挙げられる。

【①①16】天竺繊維の代表例としては、綿、亜麻、苧麻、黄麻などの植物繊維、羊毛、絹などの動物繊維、石綿などの動物繊維、石綿などの動物繊維、石綿などの鉱物繊維などが挙げられる。本発明に用いる繊維は、特にその形態が規定されるものではない。また、モノフィラメントであってもよく、マルチフィラメントであってもよい。さらに、短繊維を紡績した紡績系でもよい。尚、マルチフィラメントや紡績系の繊維を用いる場合には、核酸の固定に、単繊維間の空隙等を利用することも可能である。

【① 0 1 7 】 本発明に用いる繊維は、無処理の状態でそのまま用いてもよいが、必要に応じて、反応性官能基を導入した繊維であってもよく、また、アラスマ処理やア線 電子線などの放射線処理を施した繊維であってもよい これら繊維に核酸を固定化する場合には、繊維と核酸との間における各種化学的又は物理的な相互作用、すなわち繊維が有している官能基と、核酸のメクレオチドを構成する成分との間の化学的又は物理的な相互作用を利用することができる。

【0019】上述の方法により得られた核酸固定化繊維は、適当な処理をすることができる。例えば、熱処理、アルカリ処理、界面活性剤処理などを行うことにより、固定化された核酸を変成させる。あるいは、細胞、菌体などの生材料から得られた核酸を使用する場合は、不要な細胞成分などを除去する。そして、処理後の繊維を核酸を検出する材料として用いることができる。なお、これらの処理は別々に実施してもよく、同時に実施してもよい。また、核酸を含む試料を繊維に固定化する前に適宜実施してもよい。

【0020】上記の通り調製された核酸固定化繊維は、本発明の繊維配列体を構成する基本単位とすることができる。そして、これらの核酸固定化繊維を集束した後に接着して、繊維配列体となすことができる。この際、核酸固定化繊維を規則的に配列し、樹脂接着剤等で接着することにより、例えば、縦横に核酸固定化繊維が整然と規則的に配列した核酸固定化繊維配列体を得ることができる。 繊維配列体の形状は特に限定されるものではないが、通常は、繊維を規則的に配列させることにより正方

形又は長方形に形成される。

【0021】「規則的に」とは、一定の大きさの枠の中に含まれる繊維の本数が一定となるように順序よく配列させることをいう。例えば、直径1mmの繊維を更にして断面が縦10mm、横10mmの正方形となるように配列させようとする場合は、その正方形の枠内・1cmのの本の繊維を1辺に含まれる繊維の数を10本とし、この10本の繊維を1列に東ねて1層のシートとした後、この15ートが10層になるように重ねる。その結果、縦に10本、横に10本、合計100本の繊維を配列させることができる。但し、繊維を規則的に配列させる手法は、上記のようにシートを重層するものに限定されるものではない

【0022】この場合に、特定の核酸が固定化された繊維の位置があらかりめ決められた状態で配列することが望ましいが、必ずしもそのように配列させる必要はない。その理由は、配列体を形成した段階では特定の核酸を固定化した繊維がとの位置に存在するのかが不明でも、配列体の断面を切断した後、一旦ハイブリダイゼーション手法等を用いて断面における核酸の配置位置を決定することにより、特定の核酸が固定された繊維の位置を確認することができるためである。従って、この手法を用いて、一度、薄片内に配置された複数種類の核酸の位置を決定しておけば、同一配列体から得られる薄片はすべて同一の位置配置であるので、同一配列体から得られるすべての薄片の核酸の位置配置がわかる。

【0023】なお、本発明において東にする繊維の本数は100本以上、好ましくは1,000~10,000、000本であり、目的に応じて適宜設定することができる。但し、配列体における繊維の密度が、1cm²当たり100~1,000,000本となるように調製することが好ましい。そして、高密度に核酸が固定化された繊維配列体の薄片を得るべく繊維を配列させるためには、繊維の太さは細い方が好ましい。本発明の好ましい実施態様においては、繊維1本の太さは1mm以下であることが必要である。モノフィラメントでは、例えば、市販の釣糸の場合50~900μmの太さの糸である。さらに、最近の紡糸技術によれば1dtex(ポリエチレンテレフタレートの場合、直径約14μmとなる)のモノフィラメントも製造可能であり、更に細い繊維(極細繊維又は超極細繊維)の製造も可能である(直径1~10μm)

【0.0.24】直径 $5.0\,\mu$ mのモノフィラメントを用いた場合、 $1\,c$ mあたり $2.0\,0$ 本の繊維を配列させることができるため、 $1\,c$ m-の正方形内に配列させることのできる繊維の本数は40.000本である。したがって、この場合は $1\,c$ m<sup>2</sup>あたり最高40.000種類の核酸を固定化することができる。一方、マルチフィラメントにおいては $8\,d$ tex= $3\,6\,7$ 4ラメントや $8\,2\,d$ tex= $4\,5\,7$ 4ラメント等をそのまま用いることもできる。

【0025】各繊維配列体中の各々の繊維に固定化されている核酸の種類は、それぞれ異なる種類の核酸とすることが可能であり、また、同一の核酸が固定化された繊維から任意の本数の繊維を選択し、その選択された繊維を東ねて適宜配列させることも可能である。即ち、本発明によれば、固定化された核酸の種類と配列の順序に関しては、目的に応じて任意に設定することが可能である。

【0.0.2.6】本発明においては、上記の核酸固定化繊維配列体を繊維軸と交差する方向、好ましくは繊維軸に対して垂直方向に切断することにより、杉酸固定化繊維配列体断面を有する薄片を得ることができる。この際の切断方法としては、例えば、ミクロトームを用いて配列体から薄片を切り出す方法等が挙げられる。薄片の厚みは任意に割整することができるが、通常 $1.5.000\mu$ m、好ましくは $1.0.00\mu$ mである

【0027】得られた核酸固定化繊維配列体断面を有する薄片には、該配列体を構成する繊維の数に応じた核酸が存在する。薄片の断面積あたりの核酸の数に関しては、用いる繊維の外径や配列体作製時の方法等を適宜選択することにより、薄片断面積1cm-あたり100以上、更には1000以上の核酸が固定化された薄片を作製することも可能である

【10028】これら薄片は、固定化された核酸をプロープとして、検体と反応させてハイブリダイゼーションを行うことにより、検体中の特定の塩基配列を有する核酸の検出に用いることができる。本発明で言っフロープとは、検出すべき遺伝子の塩基配列に相補的な塩基配列を有する核酸を指す。即ち、本発明の核酸固定化繊維配列体断面を有する薄片を検体と反応させてハイブリダイゼーションを行い、プローブと相補的な検体中に存在する核酸とのハイブリッドを形成させ、このハイブリッドを検出することにより、目的とする塩基配列を有する検体中の核酸を検出することができる。

【①①29】ハイブリッドの検出には、ハイブリッドを特異的に認識することができる公知の手段を用いることができる。例えば、検体中の核酸に、蛍光物質、発光物質、ラジオアイソトーでなどの標識体を作用させ、この標識体を検出することができる。これら標識体の種類や標識体の導入方法等に関しては、何ら制限されることはなく、従来公知の各種手段を用いることができる。

【〇〇30】これら薄片は、固定化された核酸をプロープとして、検体と反応させてハイブリタイゼーションを行うことにより。検体中の特定の塩基配列を有する核酸の検出に用いることができる。本発明で言うプローブとは、狭義には検出すべき遺伝子の塩基配列に相補的な塩基配列を有する核酸を指す。即ち、本発明の核酸固定化繊維配列体断面を有する薄片を検体と反応させてハイブリダイゼーションを行い、プローブと相補的な検体中に存在する核酸とのハイブリッドを形成させ、このハイブ

リッドを検出することにより、目的とする塩基配列を有する検体中の核酸を検出することができる。また、本発明で言うプローブとは、広義には検体中に存在するするタンパク質や低分子化合物等と特異的に結合することができる核酸を指す。従って、これらの薄片の利用法としては、固定化された核酸(プローブ)とハイブリッドを形成する核酸を検出するための利用に留まらず、固定化された核酸と特異的に結合するタンパク質や低分子化合物等の各種試料(例えば生体成分等)を検出するための利用が挙げられる。

【ロり31】固定化された核酸とハイブリットを形成する核酸や、固定化された核酸と特異的に結合する各種生体成分の検出には、公知の手段を用いることができる。例えば、検体中の核酸、タンパク質又は低分子化合物等に、蛍光物質、発光物質、ラジオアイソトープなどの標識体を作用させ、この標識体を検出することができるこれら標識体の種類や標識体の導入方法等に関しては、何ら制限されることはなく、従来公知の各種手段を用いることができる。

#### [0032]

【実施例】本発明を以下の実施例によって更に詳細に説明する 但し、本発明はこれら実施例によりその技術的 範囲が限定されるものではない

#### 参考例 1

繊維の表面処理(1):ナイロン繊維(直径0.165mm、ナイロン6製モノフィラマント)を、ポリエチレン製ボビンに、糸が互いに接触しないように巻き付け 室温の蟻酸(純度99%)に浸漬し、液中に10秒間保持した。次に、糸管に巻いたナイロン繊維を引き上げ、直ちに室温の水中に浸漬し、続いて流水にて十分洗浄後乾燥して、繊維の表面が白化したナイロン繊維を得た。このナイロン繊維を通常の方法で走査型電子顕微鏡(日本電子製、JSM-5300)で加速電圧5kVにて観察したところ、表面が粗面化されていることが確認された。【0033】参考例2

繊維の表面処理(2):参考例1と同様の方法で、ナイロン繊維(直径0.165mm、ナイロン6製モノフィラメント)を、硫酸の10%エタノール溶液に浸漬、処理して繊維の表面が白化したナイロン繊維を得た、このナイロン繊維の表面を参考例1と同様に観察し、表面が粗面化されていることが確認された。

#### 【0034】参考例3

繊維の表面処理(3):ナイロン繊維(直径0.165mm、ナイロンも製モノフィラメント)に酸無水物基を以下の方法により導入した。約20 cmのナイロン繊維を 10ml の 3mol/1 塩酸中に 30 °C、30分間浸漬した後、蒸留水にて洗浄した。乾燥後10mlの10% (w/v) のポリエチレンイミン水溶液とメタノールとの1:5混合液に室温で30分間浸漬した後。20mlの5%。ジシクロヘキシルカルボジィミドのメタノール溶液を加え、引き続き室温で2時間

浸漬した メタノールにて洗浄、乾燥後 20ml の2%(4人) 無水マレイン酸ーメチルビニルエーテル共重合体の脱水アセトン溶液中に室温で1時間浸漬し、アセトンにて洗浄後真空乾燥した。

#### 【0035】参考例4

オリゴヌクレオチド及び5 末端にアミノ基を有するオリコヌクレオチドの割製:以下に示したオリゴヌクレオチド(プローブA プローブE)を合成した

プロープA: GCGATCGAAACCTTGCTGTACGAGCGAGGGCTC(配列番号1)

プロープB: GATGAGGTGGAGGTCAGGGTTTGGGACAGCAG(配列 番号2)

オリゴスクレオチドの合成はPEバイオシステムズ社の自動合成機DNA/ENA synthesizer (model394)を用いて行い、一般的手法により、脱保護及び精製して使用したまた、DNA合成の最終ステップでアミノリンク日(商標名) (アプライトバイオシステム社)を用いてそれぞれのオリゴスクレオチドの5~未端にNH<sub>2</sub>(CH<sub>2</sub>)、一を導入しアミノ化したプローブも調製した、

#### 【(10)36】実施倒1

核酸固定化繊維の作製(1):参考例1~3で表面処理したナイロン繊維に対し、参考例4において作製した未修飾のオリゴスクレオチド(プローブA及びB)をそれぞれ、以下の方法により固定化した。参考例4において作製したオリゴスクレオチドの水溶液(核酸濃度10μg=m1)に、参考例1~3で表面処理したナイロン繊維を浸し、空気中で乾燥後、80℃で1時間へーキングを行いオリゴスクレオチドが固定化された繊維を得た(図1)。図1において、(1)はプローブAが固定化された繊維を、(2)はプローブBが固定化された繊維を表す。また、(3)及び(4)の繊維束のうち白丸(こ)で表示した繊維はプローフAが固定化されたものを、黒丸(●)で表示した繊維はプローフAが固定化されたものを表す。

#### 【0037】実施例2

核酸固定化繊維の作製(2):参考例1~3で表面処理したナイロン繊維に対し、参考例4において作製した5、未端にアミノ基を有するオリゴヌクレオチド(プローブA及びB)をそれぞれ、以下の方法により固定化した一参考例4において作製したアミノ基を有するオリゴヌクレオチトの溶液(核酸濃度10μg/ml、溶媒として6.1M塩化マグネシウムを含むリン酸緩衝液(pH8)を使用)の2500μ1と、1-エチルー3ー(3ージメチルアミノフロピル)カルボジイミド(EDC)の0.06gと、1 重量%のナイロン繊維の500μ1とを混合し、室温で10分間放置した。50mMリン酸緩衝液(pH8.0)で洗浄後、同緩衝液5m1に浸した。これに、EDCの0.12gを加え、室温で3時間振とうした後、50mリン酸緩衝液(pH8.0)て洗浄し、オリゴヌクレオチドが固定化された繊維を得た。

#### 【()()38】実施例3

核酸固定化繊維の作製(3):セルロース繊維(85デ

シテックス(dtex) 36フィラメント(fil.)) に対し、参考例4において作製したアミノ基を有するオリゴヌクレオチド(プロープA及びB)をそれぞれ、以下の方法により固定化した。1 gの臭化シアンを2 mkのジメチルホルムアミドに溶解した。これを長さ20~mのセルロース繊維5 gを含む水溶液に添加し、15~20 Cで10~20分放置した。同は5mol/1水酸化ナトリウム添加により10.5~11.5に維持した。反応後、約15倍量の冷水で洗浄し、最後に10mMリン酸緩衝液(pH8.0) で洗浄した。

【0039】こうして活性化されたセルロース繊維を含む10mMリン酸緩衝液(pH8.0)に、参考例中において作製したアミノ基を有するオリゴヌクレオチド(0.1~30 ml)を加え、20Cて終夜放置した。反応終了後、10mMリン酸緩衝液(pH8.0)、1Mリン酸緩衝液(pH8.0)、1M塩化カリウム溶液、水で順次洗浄し、オリゴヌクレオチトが固定化された繊維を得か

#### 【0040】実施例4

核酸固定化繊維配列体の作製:実施例1で得たプローブ Aが固定化されたナイロン繊維(参考例1の表面処理を 行ったもの、長さ20cm)20本を、テフロン板上に 互いに重なることなく且つ密着させて配列し、両端を固 定した。これに、ポリウレタン樹脂接着剤(日本ポリウ レタン工業(株)コロネート4403、ニッポラン4223)を薄 く塗布し、ポリウレタン樹脂が十分に固まった後、これ をテフロン板上から剥がし、プロープAが固定化された 繊維が一列に配列したシート状物を得た。一方、プロー プ目が固定化された繊維についても、同様の操作により シート状物を得た。次いで、これらのシート状物を図1 (3)の配列となるように20枚積層し、上記接着剤を 使用して接着し、縦横各々20本ずつ、計400本の繊 維が規則的に正方に配列した核酸固定化繊維配列体を得 た。参考例2及び3により表面処理を行った繊維それぞ れに対しても同様の操作により核酸固定化繊維配列体を 得た。さらに、実施例2及び3で得られた核酸固定化繊 維についても、上記と同様にして核酸固定化繊維配列体 を得た。

### 【0041】実施例5

核酸固定化繊維配列体の薄片の作製:実施例4で得られた核酸固定化繊維配列体を、繊維軸に直角方向にミクロトームを用いて100μmの厚さに切り出すことにより、縦横各々20本、計400本の繊維断面が規則的に正方に配列された核酸固定化繊維配列体の薄片を得た(図1(4))。

#### 【10142】参考例5

試料核酸の標識: 試料核酸のモデルとして、参考例4で合成したオリゴヌクレオチド(プローブA、プローブ E)の配列の一部に相補的なオリゴヌクレオチド(C. D)を合成した。

オリゴヌクレオチドC: GAGCCCTCGCTCGTACAGCAAGGTTTC G (配列番号3)

オリゴスクレオチドD: CTGCTGTCCCAAACCCTGACCTCCACC (配列番号4)

これらのオリゴヌクレオチドの5 末端を、参考例4と同様にしてアミノリンクII (商標名) (PEバイオンステムズジャパン社) を用いてそれぞれのオリゴヌクレオチトの5 木端にNH $_2$  (CH $_2$ )  $_2$  を導入した後、以下のよっにしてディゴキシゲニン (DIG Digoxigenia、ロシュ・ダイアグノスティックス株式会社)で標識した。

【 0 0 4 3 】末端アミノ化されたオリゴヌクレオチドをそれぞれ100 mmホウ酸緩衝液 (pHS.5) に終濃度2 mMになるように溶かした。等量のDigoxigenin-3-(Emethylcarbonyl-ε-aminocapronic acid-N-hydroxy-succinimide ester (26mg/mlシメチルホルムアミト溶液)を加え、室温にて一晩静置した。量を100μ1に調整し、2μ1のブリコ

ーゲン(ロシューダイアグノスティックス株式会社)、10元1の3M酢酸ナトリウム(pH5.2)、300元1の治エタノールを加え、15,000cpm 15分の遠心により沈殿を回収した。沈殿に500元1の70%エタノールを加え15,000cpm 5分の遠心により沈殿を再びチューブの底に集めた。沈殿を風乾し、100元1の10 mM Tris-HCL (pH7.5)、1 mM EDTAに溶かした。こうして得られたDIG標識オリゴヌクレオチトを試料核酸のモデルとして用いた。

【0044】参考例6

ハイブリダイゼーション:実施例うで作製した核酸固定 化薄片をハイブリタイゼーション用のバッグに入れ、以 下の組成からなるハイブリダイゼーション溶液を注ぎ込 み、45℃で30分間プレハイブリダイゼーションを行っ た。参考例うで得られたD1G標識DNAを加え、45 でで15時間ハイブリダイゼーションを行った。

[0045]

ハイブリダイセーション溶液組成:

5xSSC(0.75M塩化ナトリウム、0.075Mクエン酸ナトリウム、pH7.0) 5%プロッキンク試薬(ロシュ・ダイアグノスティックス株式会社) 0.1% N-ラウロイルザルコシンナトリウム 0.02% SDS(ラウリル硫酸ナトリウム) 50% ホルムアミド

#### 【(1046】参考例7

検出:ハイブリダイゼーション終了後、核酸固定化薄片を、あらかじめ保温しておいたう Om t 20.1 x SSC, 0.1% SDS溶液に移し、振盪しながら20分間の洗浄を45℃で3回行った。DIG緩衝液1を加え、室温で振盪しながらSDSの除去を行った。これを再度繰り返した後、DIG緩衝液2を加え1時間振盪した。緩衝液を除いた後、DIG緩衝液2に10000分の1量の抗DIGアルカリフォスファターゼ標識抗体溶液を加えた溶液10mlを加え、30分間ゆっくり振盪させることにより抗原抗体反応を行わせた。次に0.2% Tween 20を含むDIG緩衝液1で15分間2回振盪することにより洗浄し、引き続き DIG緩衝液3に3分間浸した。DIG緩衝液3を除いた後、AMPPDを含むDIG緩衝液3mlを加え、10分間平衡化した。

【0047】水分をきり、新しいハイブリダイセーション用バッグに移し、37℃で1時間おいた後、X線フィルム用のバインダーにX線フィルムとともに挟みフィルムを感光させた。その結果、何れも、プローブAか配置された場所には、オリゴヌクレオチドCが結合し、プローブBが配置された場所には、オリゴヌクレオチドDが結合していることが確認された。

【 0 0 4 8】DIG緩衝液 1 : 0.1 Mマレイン酸、0.15M塩 化ナトリウム(pH7.5)

DIG緩衝液2: DIG緩衝液1に0.5%濃度でプロッキング 試薬を添加したもの

DIG緩衝液3: 0.1 Mトリスー塩酸(pH9.5)、0.1 M塩化

ナトリウム、0.05M塩化マグネシウム

ブロッキング試薬:抗DIGアルカリフォスファターゼ標 識抗体溶液およびAMPPDはDIG Detectionキット (ロシュ・ダイアグノスティックス株式会社)中の試薬である。

#### 【0049】

【発明の効果】本発明により、核酸が固定化された繊維並びに核酸が固定化された繊維配列体及びその薄片が提供される。本発明によれば、核酸が任意に高密度且つ正確に配列された核酸固定化繊維配列体の繊維断面を有する薄片を再現性よく効率的に得ることができる。この薄片を用いて、検体中の核酸の種類および量を調べることができる。

【0050】本発明を従来法と比較した利点、有用性としては、例えば、固定化プロセスを二次元平面上で行わず、一次元構造体としての繊維上で分離・独立して行うことにより、鎖長によらず核酸の定量的固定が可能となったこと、整列化プロセスに各種の繊維賦形技術、ないし織物作製技術の導入による高密度化が可能となったこと、また、その結果得られる選っれる三次元構造体としての繊維束から目的とする二次元配列体を作製するため、従来法にはない薄片化プロセスが新たに導入されたが、それに伴いスポッティング法のような誤差の多い微量分注操作が不要となり、連続切片化を通した多量生産が可能となったこと等があげられる。

[0051]

【配列表】

#### SEQUENCE LISTING

S;1100; MITSUBISHI RAYON CO., LTD.
GENOX RESERCH, Inc.

C:120: NUCLEIC ACID-FIXED FIBER, AN ARRAY OF THE FIBERS AND A SLICE OF THE ARRAY.

<:130>: P99-0106

<:140 > ;
<:141 > ;

4;160°; 4

\(\cdot\); PatentIn Ver. 2.0

<;210>; 1
<;211>; 33
<;212>; DNA

<;213>; Artificial Sequence

<;220>;

<;223>; Synthetic DNA

<;400>; 1

gegategaaa eettgetgta egagegaggg etc

<;210>; 2 <;211>; 32 <;212>; DNA

<;213>; Artificial Sequence

<;220>;

<;223>; Synthetic DNA

<:400>; 2

gatgaggtgg aggtcagggt ttgggacagc ag 32

<:2105; 3 <:2115; 28 <:2125; DNA

<;213>; Artificial Sequence

-1;220≥;

□;2230; Synthetic DNA

<:4005; 3

gagecetege tegtacagea aggitteg

33

### (9)000-245461 (P2000-24機l8

<;2100; 4
<;2110; 27
<;2120; DNA</pre>

4:213: Artificial Sequence

·::220·:

=:;223 /: Synthetic DNA

<:400 -: 4

etgetgteec aaaceetgae etecace

【0052】

【配列表フリーテキスト】配列番号1:合成DNA

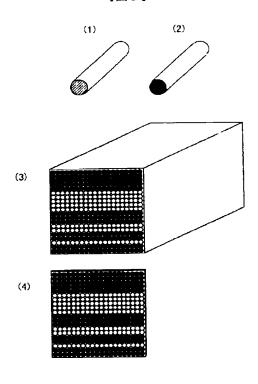
配列番号2:合成DNA 配列番号3:合成DNA 配列番号4:合成DNA 【図面の簡単な説明】

【図1】図1は核酸固定化繊維並びに核酸固定化繊維配

27

列体及びその薄片の模式図である (1)はプローブAが 固定化された核酸固定化繊維、(2)はプローブBが固定 化された核酸固定化繊維、(3)はこれら2種の核酸固定 化繊維からなる核酸固定化繊維配列体、及び(4)はこの 核酸固定化繊維配列体を繊維軸に対して垂直方向に切断 した断面を示す。

【図1】



フロントページの続き

#### (72)発明者 湯 不二夫

神奈川県横浜市鶴見区大黒町10番1号 三 菱レイヨン株式会社化学品開発研究所内 (10)100-245461 (P2000-24機B

Fターム(参考) 2G045 AA40 BA13 BA14 BB01 BB07

BB10 BB14 BB22 BB48 BB51

DA12 DA13 FA16 FA20 FB02

FB16

4B024 AA20 BA80 CA01 CA11 HA12

4B063 QA01 QA18 QQ42 QQ52 QR38

QR82 QS34 QX01